

Identité / Personal details

Genre / Gender (Femme / Homme / Autre)	Femme	
Nom et prénom / Name and first name:	DESPRES Laurence ORCID ID: 0002-0660-6260	
Pays / Country	France	

Poste actuel / Current position¹

Titre / Function

Professeure Université Grenoble Alpes 1ere classe

Organisme(s) public(s) français / French public organisation(s)

Code RNSR / RNSR code	Organisme / Organisation	Laboratoire / Laboratory	Code unite / Unit code	Code postal / Postcode	Ville / Town
199511994N	UGA	LECA	5553	38000	Grenoble

Organisme(s) privé(s) français / French private organisation(s)

Siret	Etablissement / Organisation	Direction service / Department unit	Code postal / Postal code	Ville /Town

Organisme(s) étranger(s) / Foreign organisation

Etablissement / Organisation	Laboratoire / Laboratory	Ville / Town	Pays / Country

Autres activités / Other activities

Activités de direction, encadrement, enseignement, activité d'évaluation dans des commissions ou d'expertise scientifique / Executive board, supervision of student, teaching, memberships in panels or individual scientific reviewing activities

Direction de 3 post-doc, 9 thèses, 17 M2, 34 M1, 3 BTS, 1 IUT.

Création et responsabilité du Master BEE (UGA) depuis 2004.

Membre du CS Pole Recherche PAGE (UGA) depuis 2016.

Membre du CNU (section 67) depuis 2020.

Co-responsable de la rubrique 'Vivant' de l'Encyclopédie de l'Environnement (<http://www.encyclopedie-environnement.org/>).

Membre du CS de la RN du Marais de Lavours (Ain).

Expertise : Centre National de la Recherche Canada, Fond National de la Recherche Suisse, CNRS France, FNS Belge, FNS Autriche, AERES, ANR, Fondation Recherche Biodiversité (FRB), Ministère de l'Ecologie et du Développement Durable, région Centre, Labex Cemeb Montpellier, AllEnvi (membre GT Biodiversité), divers Comités de sélection universitaires ;

Jury de Concours EC: 8 (UJF; INSA Lyon ; IUT Lyon ; Université de Montpellier ; Université de Savoie ; Université de Lyon ; UGA). Jury de soutenance de thèse (24 dont 14 en tant que rapporteur), de HDR (9 dont 8 en tant que rapporteur). Reviewer (Evolution, Mol. Ecol., J. An Ecol, Toxins, BMC Genomics, PeeRJ, BJ Lin Soc...).

Postes antérieurs / Previous positions

Début / Start date	Fin / End date	Ville / Town	Etablissement / Organisation	Fonction / Function
1994	2008	Grenoble	UJF	Maître de Conférences
1993	1994	Lille	Université Lille 1	ATER
1992	1993	Vancouver	University of British Columbia	Research Associate

Interruption(s) de carrière / Career interruption(s)

2 congés maternité (4 mois) 1998 et 2001

Formation supérieure / Education²

1988-1991: Thèse de Doctorat de l'Université Montpellier II, spécialité: Physiologie, Biologie des Organismes et des Populations. Bourse de Docteur Ingénieur (BDI) CNRS.

1988: DEA Sciences de l'Evolution et Ecologie, délivré conjointement par l'Université Montpellier II, l'I.N.A.P.G. et

¹ Compléter la ou les sections appropriées / Fill the appropriate field(s)

² Les non-titulaires d'un PhD indiquent la date de leur dernier diplôme académique. / Researchers without a PhD must indicate the date of their last academic degree.

Productions scientifiques / Scientific productions

Projets de recherche, prix, distinctions, bourses, etc. / Grants, prizes, awards, fellowships, etc.

Bourse de docteur ingénieur, CNRS (1988-1991) ; Bourse post-doc Lavoisier (Ministère des Affaires Etrangères ; 1992) ; Délégation CNRS (1 an ; 2002-2003) ; Coordination de programmes de recherche : 1 programme international CREPUQ (France-Quebec 2012; 1 ADR 6 mois Master 2) ; 4 programmes nationaux (ANR CES 2008-2012, IFB 2010, FRB 2012, INEE 2013), 7 programmes régionaux : Région Rhône-Alpes-dont deux ADR thèse (3 ans) et une ADR post-doctorat (1 an), Conseil Général de l'Isère, PNR Haut Jura : un contrat doctoral CIFRE 3ans), 4 programmes UGA (Idex Recherche dont un ADR post-doctorat 1 an, Labex OSUG@2020, Idex Formation).

5 publications majeures / 5 most relevant publications		Quel est l'apport majeur de cette publication ? / What is the major contribution of this publication?
1	<p>Capblancq T, Després L, Rioux D, Mavarez J. Hybridization promotes speciation in <i>Coenonympha</i> butterflies. <i>Molecular Ecology</i>. 2015; 24(24):6209-22.</p>	Demonstrates the species hybrid status of 2 controversial <i>Coenonympha</i> taxa by combining morphometrics, genetics and ecological niche modelling.
2	<p>Capblancq, T., Mavarez, J., Rioux, D., & Després, L. Speciation with gene flow: Evidence from a complex of alpine butterflies (<i>Coenonympha</i>, <i>Satyridae</i>). <i>Ecology and Evolution</i>, 2019; 9(11), 6444-6457.</p>	Past and current patterns of hybridization and divergence within a complex of closely related butterflies in the genus <i>Coenonympha</i> were analyzed. By testing alternative scenarios of divergence among species, we show that gene flow has been uninterrupted throughout the speciation process, although leading to different degrees of current genetic isolation between species in contact zones depending on the pair considered.
3	<p>Capblancq, T., Després, L., & Mavarez, J. Genetic, morphological and ecological variation across a sharp hybrid zone between two alpine butterfly species. <i>Evolutionary Applications</i>, 2020 ; doi: 10.1111/eva.12925.</p>	Cline analysis of a narrow active long-lasting hybrid zone between an hybrid lineage and one of its parental species reveals coupling of different reproductive barriers with shift in habitat characteristics (presence of trees and growing season start). Among the loci with steeper clines (least permeable to introgression), we identified genes involved in olfactory receptors, eyespot development, immunity and cell protection against oxidative stress, potentially involved in reproductive isolation.
4	<p>Sherpa, S., Blum, M. G. B., & Després, L. Cold adaptation in the Asian tiger mosquito's native range precedes its invasion success in temperate regions. <i>Evolution</i>, 2019; 73(9), 1793-1808.</p>	Analyzing genetic and morphometric variation along the climatic gradient of <i>A. albopictus</i> native range, we identified adaptive variation in genes involved in cold adaptation (differentially expressed under diapausing conditions), and show wing size increase with latitude, suggesting that colonization of northern latitudes in the native range promoted adaptation to cold environments prior to its worldwide invasion.
5	<p>Després, L., Henniaux, C., Rioux, D., Capblancq, T., Zupan, S., Celik, T., . . . Ficetola, G. F. Inferring the biogeography and demographic history of an endangered butterfly in Europe from multilocus markers. <i>Biological Journal of the Linnean Society</i>, 2019; 126(1), 95-113.</p>	We applied Approximate Bayesian Computation in a coalescent framework to infer past and contemporary demographic parameters in the endangered butterfly <i>Coenonympha oedippus</i> . The species survived the Last Glacial Maximum in at least two distinct areas separated by the Alps. This scenario fits species distribution modelling identifying variation of suitable areas with past climatic modifications. Strong population decline was inferred in the Atlantic

and western Alps lineages during historical time, in agreement with multiple records of recent decline of this species in Europe.

Valorisation

brevet, licence, création d'entreprise, développement de logiciel, base de données, prototype, etc. / patent, creation of a start-up, software development, database, prototype, etc.

Brevet n° FR 11 60365 'Extraction des toxines du bioinsecticide Bti (*Bacillus thuringiensis* var. *israelensis*) à partir d'échantillons environnementaux et dosage immunologique ELISA.'